

Designação do projeto | Target@TB. Explorando uma nova ferramenta química para desvendar novas terapias e alvos moleculares na tuberculose.

Código do projeto | Lisboa 01-0145-FEDER-030266 / PTDC/MED-FAR/30266/2017

Objetivo principal | Reforçar a investigação, o desenvolvimento tecnológico e a inovação

Região de intervenção | Nacional

Entidade beneficiária | FARM-ID – Associação da Faculdade de Farmácia para a Investigação e Desenvolvimento.

Data de aprovação | 13/3/2018

Data de início | 1/6/2018

Data de conclusão | 31/5/2021

Custo total elegível | 230.334,62

Apoio financeiro da União Europeia | FEDER – 92.133,85 EUR

Apoio financeiro público nacional/regional | OE - 138.200,77 EUR

Objetivos, atividades e resultados esperados/atingidos:

Este projeto pretende desenvolver novos compostos para a tuberculose, com atividade contra as estirpes multi- e extensivamente-resistentes. Estes objetivos estão alinhados com o programa da OMS, End TB Strategy, que pretende diminuir em 95% o número de mortes por tuberculose até 2035. Isto representa um

elevado impacto na saúde, na sociedade e na economia, tanto regional, como nacional e até mesmo a nível internacional. O carácter marcadamente translacional do projeto permite antever a aplicabilidade dos resultados obtido na resolução dos problemas reais das populações.

A equipa multidisciplinar envolvida neste projeto permite a interação entre diferentes áreas científicas no sentido de se alargar o conhecimento em relação à tuberculose. Um dos objetivos deste projeto é a descoberta do(s) alvo(s) terapêutico(s) responsável pela atividade de uma nova estrutura química com atividade em estirpes sensíveis, multi- e extensivamente-resistentes do agente causal da doença. Para se atingir este objetivo recorrer-se-à a diferentes tecnologias avançadas como sejam: análise genómica de estirpes em que foi induzida resistência, síntese de sondas para localização intracelular das moléculas ativas e ensaios de proteómica.

Acreditamos que o conhecimento adquirido permitirá aumentar o reduzido número de alvos terapêuticos contra a TB completamente validados e expandir o conhecimento da biologia do M.tb.